FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Profil de FOR GOOD TIME VALHALLA

Informations sur l'animal

Nom enregistré
FOR GOOD TIME VALHALLA

Sexe
F

Race déclarée par le propriétaire
Exotic Shorthair

Date de naissance
2024-04-11

Numéro de la puce
250269610969717

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Diversité génétique

Hétérozygotie

Pourcentage d'hétérozygotie de FOR GOOD TIME VALHALLA

34%

L'analyse du génome de FOR GOOD TIME VALHALLA montre un niveau moyen de hétérozygotie génétique par rapport aux autres FOR GOOD TIME VALHALLA. Exotic Shorthairs.

Fourchette typique pour Exotic Shorthairs

29% - 35%

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Profil génétique

SNP - ISAG 2020 Panel 1

1	Chr_A1.8645803	G/G	**38**	Chr_B2.39410270	-/-	**75**	Chr_D1.155108396	A/G
2	Chr_A1.13728185	A/G	**39**	Chr_B2.44526758	A/A	**76**	Chr_D2.3920915	G/G
3	Chr_A1.35096216	A/G	**40**	Chr_B2.112725014	A/G	**77**	Chr_D2.63390925	G/G
4	Chr_A1.90886901	A/C	**41**	Chr_B2.127806414	A/G	**78**	Chr_D2.70137294	A/G
5	Chr_A1.147652232	G/G	**42**	Chr_B2.144270294	A/G	**79**	Chr_D2.82255010	A/G
6	Chr_A1.161489899	A/G	**43**	Chr_B3.15158039	A/G	**80**	Chr_D2.93650111	A/C
7	Chr_A1.182274661	A/G	**44**	Chr_B3.44006038	G/G	**81**	Chr_D3.1874324	A/C
8	Chr_A1.203180122	A/G	**45**	Chr_B3.69408089	A/G	**82**	Chr_D3.25103574	G/G
9	Chr_A1.225272697	A/A	**46**	Chr_B3.103519744	G/G	**83**	Chr_D3.60188001	A/A
10	Chr_A1.254445788	G/G	**47**	Chr_B3.108594864	A/G	**84**	Chr_D4.13485526	G/G
11	Chr_A1.277751565	A/G	**48**	Chr_B4.6940122	G/G	**85**	Chr_D4.36752454	A/A
12	Chr_A2.14510517	A/A	**49**	Chr_B4.27583384	A/A	**86**	Chr_D4.42413266	A/C
13	Chr_A2.21472877	A/A	**50**	Chr_B4.77313232	A/A	**87**	Chr_D4.52346148	A/C
14	Chr_A2.33979426	A/G	**51**	Chr_B4.93595346	A/A	**88**	Chr_D4.98825532	G/G
15	Chr_A2.65750322	A/G	**52**	Chr_B4.112927129	A/A	**89**	Chr_E1.7439176	A/A
16	Chr_A2.96523276	A/A	**53**	Chr_B4.129718002	A/G	**90**	Chr_E1.40338965	G/G
17	Chr_A2.105639377	A/A	**54**	Chr_C1.35353868	A/A	**91**	Chr_E1.69446066	A/A
18	Chr_A2.127940273	G/G	**55**	Chr_C1.56297389	A/G	**92**	Chr_E2.33619241	G/G
19	Chr_A2.171182940	C/C	**56**	Chr_C1.76501424	A/G	**93**	Chr_E2.72592582	G/G
20	Chr_A2.177549293	A/A	**57**	Chr_C1.132987869	A/G	**94**	Chr_E3.15324152	A/G
21	Chr_A2.217930062	A/G	**58**	Chr_C1.156688949	A/G	**95**	Chr_E3.35126702	A/A
22	Chr_A3.2835846	A/A	**59**	Chr_C1.170053490	A/A	**96**	Chr_E3.68341106	A/G
23	Chr_A3.15528070	G/G	**60**	Chr_C1.199526609	A/G	**97**	Chr_F1.2018000	A/G
24	Chr_A3.28113236	A/G	**61**	Chr_C1.211548622	A/G	**98**	Chr_F1.24753896	A/A
25	Chr_A3.35789415	G/G	**62**	Chr_C1.227709958	G/G	**99**	Chr_F1.35115194	G/G
26	Chr_A3.98497082	A/G	**63**	Chr_C2.2254710	G/G	**100**	Chr_F1.60720527	A/A
27	Chr_A3.117471748	A/A	**64**	Chr_C2.13376232	A/C	**101**	Chr_F2.11898988	A/A
28	Chr_A3.139708979	G/G	**65**	Chr_C2.32881044	G/G	**102**	Chr_F2.20222767	G/G
29	Chr_B1.13362	A/A	**66**	Chr_C2.68311280	A/C	**103**	Chr_F2.29161378	G/G
30	Chr_B1.15122664	A/C	**67**	Chr_C2.81863545	G/G	**104**	Chr_F2.47823420	G/G
31	Chr_B1.29329084	G/G	**68**	Chr_C2.140853350	A/A	**105**	Chr_F2.67965848	A/G
32	Chr_B1.56679059	A/A	**69**	Chr_C2.153875641	A/G	**106**	Chr_F2.73327273	A/G
33	Chr_B1.69970470	A/G	**70**	Chr_D1.4801928	A/G	**107**	Chr_X.5996958	A/G
34	Chr_B1.100153958	A/A	**71**	Chr_D1.17333694	A/A	**108**	Chr_X.49536490	A/C
35	Chr_B1.137984657	A/G	**72**	Chr_D1.31840413	G/G	**109**	Chr_X.109143347	G/G
36	Chr_B1.194730318	A/A	**73**	Chr_D1.96334367	G/G	**110**	Chr_X.157577155	C/C
37	Chr_B1.213211080	A/A	**74**	Chr_D1.122896648	A/G	**SEX**	Fel_zfxy	X/X

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Maladies spécifiques à la race

Polykystose Rénale/PKD (Polykystic Kidney Disease)	Gène	Allèle de risque	Copies	Mode de transmission	Résultat
	PKD1	C>A	0	AD	**Sain**

Informations sur la maladie génétique

La Polykystose Rénale (PKD), également appelée PKD autosomique dominante, se caractérise par la présence de kystes remplis de liquide, de taille variable, dans le cortex et la médulla des reins, et parfois également dans le foie et le pancréas. Les kystes se développent dès la naissance et grossissent avec l'âge. Les kystes détruisent le parenchyme rénal et perturbent la fonction rénale, provoquant finalement une insuffisance rénale. Les chats atteints présentent des signes d'insuffisance rénale tels qu'une perte de poids, une diminution de l'appétit, une polyuro-polydipsie (augmentation du volume et de la fréquence des mictions et de la consommation d'eau), une mauvaise condition physique et des vomissements. Les analyses biochimiques et l'examen échographique sont des outils utiles pour déterminer la gravité de la maladie chez un individu affecté. Une mutation ponctuelle autosomique dominante du gène PKD1 a été identifiée comme étant la mutation génétique la plus fréquemment à l'origine de la maladie. Aucun chat homozygote n'a été identifié comme affecté, ce qui suggère que la mutation est une mutation homozygote mortelle in utero. La PKD est très courante chez les chats persans et apparentés : elle affecte environ 38 % des chats persans dans le monde. Bien qu'il n'y ait aucun lien connu entre le sexe et la transmission de la mutation, des recherches ont montré que la mutation a une prévalence plus élevée chez les chats mâles.

Recommandation de l'éleveur

Cette maladie est autosomique dominante, ce qui signifie qu'une seule copie de l'allèle est nécessaire pour que la maladie se développe. L'utilisation de chats porteurs d'une ou de deux copies de l'allèle de la Polykystose Rénale (PKD) n'est pas recommandée en élevage, car il existe un risque que la portée qui en résulte contienne des chatons affectés. Par exemple, si un chat avec une copie de l'allèle de la PKD est croisé avec un chat sain sans copie de l'allèle de la PKD, environ la moitié des chatons aura une copie de l'allèle et l'autre moitié n'en aura aucune. Important : il est possible que des signes cliniques semblables à ceux provoqués par cet allèle de la PKD se développent en raison d'une autre cause, génétique ou clinique.

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Principe du mode de transmission

Autosomique Récessif (AR)

Le caractère ne s'exprime que lorsque les deux allèles (hérités de la mère et du père) contiennent la mutation préjudiciable.
En fonction de la présence de mutations, les chiens sont classés en trois groupes :
• Atteint (mut/mut) - les deux allèles sont porteurs de la mutation, la maladie peut s'exprimer cliniquement.
• Porteur (mut/normal) - un des deux allèles est porteur de la mutation (hétérozygotes), la maladie ne s'exprime pas cliniquement.
• Sain (normal/normal) - la mutation n'est pas détectée, le génotype est normal, l'animal est sain pour le caractère.
Dans ce cas, les hétérozygotes sont porteurs de la mutation puisqu'ils n'expriment pas la maladie (caractère non désiré). Il est particulièrement important de tester ces animaux pour détecter les mutations, car les allèles mutés sont transmis "silencieusement" (sans voir le phénotype indésirable) dans la population.

Autosomique Dominant (AD)

Le caractère s'exprime lorsque l'un des allèles (hérité soit de la mère soit du père) est endommagé (contient une mutation préjudiciable). Un seul allèle muté peut être suffisant pour provoquer la maladie. L'importance des tests génétiques sur ces animaux réside principalement dans le diagnostic précoce de la maladie et dans l'identification des animaux avant qu'ils ne se reproduisent, car la plupart des maladies avec un mode de transmission autosomique dominant sont des maladies à apparition tardive dans la vie des animaux.

Récessif lié à l'X (XR)

Le caractère est porté par le chromosome sexuel X et ne s'exprime que lorsque les deux allèles (hérités de la mère et du père) sont endommagés (contiennent une mutation préjudiciable). Les mâles ne possèdent qu'une seule copie du gène, héritée de leur mère, car le chromosome sexuel Y ne contient pas la séquence complète d'ADN, contrairement au chromosome X. Les femelles, en revanche, possèdent deux chromosomes X et donc deux copies du gène. Dans ce cas, les hétérozygotes sont des porteurs de la mutation puisqu'ils n'expriment pas la maladie (caractère indésirable). Les mâles ne possèdent qu'une seule copie du gène : ils peuvent être homozygotes normaux ou homozygotes atteints.

Dominant lié à l'X (XD)

Le caractère est porté par le chromosome sexuel X et s'exprime lorsque l'un des allèles (hérité de la mère ou du père) est endommagé (contient une mutation préjudiciable). Un seul allèle muté peut déjà causer la maladie (caractère indésirable). Les mâles ne possèdent qu'une seule copie du gène, héritée de leur mère, car le chromosome sexuel Y ne contient pas la séquence complète d'ADN, contrairement au chromosome X. Les femelles, en revanche, possèdent deux chromosomes X et donc deux copies du gène. Dans ce cas, les homozygotes peuvent présenter un risque plus élevé ou une forme plus grave de la maladie que les hétérozygotes. Les mâles ne possèdent qu'une seule copie du gène : ils peuvent être homozygotes normaux ou homozygotes atteints.

Mitochondrial (MT)

Plutôt qu'à l'ADN génomique, le caractère est associé à l'ADN mitochondrial (ADNmt), dont chaque cellule du corps contient des milliers d'exemplaires. Pour qu'une maladie (caractère indésirable) survienne, un certain ratio d'ADNmt, hérité uniquement de la mère, doit contenir la mutation préjudiciable par rapport à l'ADNmt normal.

Gène Modificateur (MO)

Les gènes modificateurs ne provoquent pas de maladie (caractère indésirable) en eux-mêmes. Ce n'est que lorsqu'ils sont hérités en combinaison avec des mutations préjudiciables spécifiques que l'expression du caractère peut être davantage influencée par la présence d'un gène modificateur, soit en augmentant la probabilité de la maladie, soit en augmentant la gravité de la maladie. L'influence plus ou moins grande des hétérozygotes ou des homozygotes sur l'expression du trait dépend du gène modificateur.

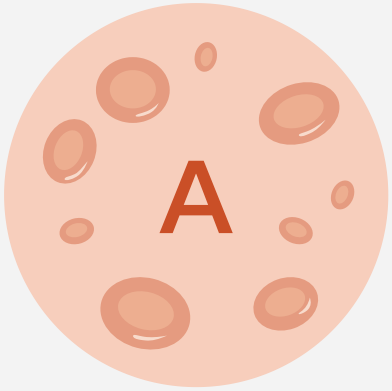
FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Groupe sanguin



Groupe sanguin
Type d'organe A (Le plus courant)

Génotype*
A/A

Risque transfusionnel
⚠ Modéré

FOR GOOD TIME VALHALLA a le groupe sanguin le plus courant. Elle peut être transfusé(e) avec du sang du groupe A.

Risque lié à la reproduction
Faible

Lors de la reproduction, FOR GOOD TIME VALHALLA présente un faible risque d'incompatibilité de groupe sanguin avec les chatons allaités.

Allèles de groupe sanguin testés*

Allèle testé	Description du génotype	Copies
Variant b 1	(Variant b commun)	0
Variant b 2	(Découvert dans des races félines turques)	0
Variant b 3	(Découvert dans Ragdolls)	0
Variant c - Associé au Groupe Sanguin AB	(Découvert dans Ragdolls)	0

*Ce test permet d'identifier trois allèles « b » connus et un allèle « c » connu du gène CMAH lors de la détermination génétique du groupe sanguin d'un chat. Le groupe sanguin A est déduit dans les conclusions lorsque moins de deux allèles de groupe sanguin sont détectés.

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

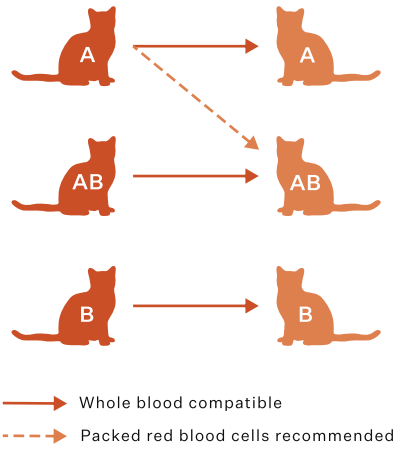
Interprétation des groupes sanguins chez le chat

Concernant la détermination du groupe sanguin

Les trois principaux groupes sanguins du chat, A, B et AB, sont régis principalement par des allèles du gène CMAH. Le groupe sanguin d'un chat peut être déterminé par son génotype, qui se compose de deux allèles d'un gène – l'un hérité de chaque parent – qui doivent être interprétés ensemble. Lors de la détermination du groupe sanguin d'après le génotype, l'allèle A associé au groupe sanguin A est plutôt dominant tandis que les allèles b associés au groupe sanguin B sont plutôt récessifs. L'allèle c associé au groupe sanguin AB est intermédiaire entre les allèles A et b, ce qui signifie qu'il est récessif par rapport à l'allèle A, mais dominant par rapport aux allèles b. Par conséquent, un génotype avec au moins un allèle A entraînera le groupe sanguin A. Pour qu'un chat soit du groupe sanguin B, son génotype doit être composé de deux allèles b. Comme l'allèle c est intermédiaire, un chat du groupe sanguin AB peut présenter un génotype composé soit de deux allèles c, soit d'un allèle c et d'un allèle b.

Concernant le risque transfusionnel

Comme chez l'homme, les différents groupes sanguins chez le chat expriment différents antigènes à la surface de leurs globules rouges. Ceci est particulièrement important car les chats du groupe A et du groupe B naissent avec des anticorps dirigés contre les antigènes des cellules sanguines des autres groupes. Notamment, les chats du groupe B ont des taux élevés d'anticorps contre les antigènes du groupe A. Les chats du groupe sanguin rare AB sont les plus polyvalents car ils expriment les deux types d'antigènes à la surface de leurs globules rouges et peuvent donc recevoir des transfusions sanguines à la fois du groupe A et du groupe AB.



Contrairement à ce que l'on observe chez l'homme, chez le chat, aucun groupe sanguin ne peut être utilisé comme donneur de sang universel. Si un chat reçoit un groupe sanguin non compatible lors d'une transfusion, cela peut provoquer une réaction grave, potentiellement mortelle, avec notamment de la fièvre, une insuffisance rénale et une destruction généralisée des globules rouges (hémolyse). Avant toute transfusion sanguine chez le chat, il faut réaliser un typage sanguin par sérologie (pour déterminer le groupe sanguin) et effectuer un test de compatibilité croisée (dit « crossmatch ») afin de garantir la compatibilité entre le donneur et le receveur.

Concernant le risque lié à la reproduction

Durant la gestation, les chatons sont protégés du système immunitaire de leur mère. Cependant, lorsqu'ils commencent à être allaités, ils reçoivent une partie des anticorps de leur mère via le colostrum. Les chats du groupe sanguin B ont des taux élevés d'anticorps contre le sang du groupe A. Ainsi, lorsque des chatons du groupe sanguin A ou AB naissent d'une mère du groupe sanguin B, ces anticorps, lorsqu'ils sont absorbés par le chaton nouveau-né, provoquent une isoérythrolyse néonatale, c'est à dire une destruction des globules rouges du chaton qui peut lui être fatale. Les chatons de mères du groupe B et dont le père est de groupe inconnu ou du groupe A doivent être nourris au biberon ou allaités dans une famille d'accueil et séparés de leur mère durant les premières 24 heures afin d'éviter cette réaction, à moins que la détermination du groupe sanguin (typage sanguin) effectuée immédiatement après la naissance ne montre que le chaton a un groupe sanguin compatible avec la mère.

Bien que certains groupes sanguins soient moins courants et nécessitent une attention particulière lors de la reproduction, ils représentent une variation génétique normale et ne doivent pas être écartés lors du choix des couples reproducteurs.

Limites actuelles de ce test

Ce test permet d'identifier 4 allèles (allèles b c.269T>A, c.179G>T, c.1233delT et allèle c c.346C>T) du gène CMAH découverts dans la population de chats domestiques et a été confirmé concordant à 99 % avec la détermination du groupe sanguin par sérologie (typage sanguin). Les antigènes Mik jouent également un rôle dans la compatibilité entre les groupes sanguins et ne sont pas inclus dans ce test. Les chats porteurs d'allèles indéterminés, nouveaux ou non encore découverts du gène CMAH ou d'autres gènes peuvent présenter une compatibilité de groupe sanguin différente de celle rapportée par ce test. La précision de ce test pour prédire le groupe sanguin chez les chats sauvages ou les races hybrides de chats sauvages n'a pas été déterminée.

1. Anderson H, Davison S, Lytle KM, Honkanen L, et al. Genetic epidemiology of blood type, disease and trait variants, and genome-wide genetic diversity in over 11,000 domestic cats (2022) PLOS Genetics.

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Caractéristiques Physiques

Couleur de Robe

	Gène	Allèle	Copies	Résultat
Charcoal (Découvert chez le Bengal)	ASIP	A^{Pb}	0	Aucun effet
Couleur Unie/Solide Deux copies de l'allèle Couleur Unie/Solide sont nécessaires pour qu'un chat ait des poils de couleur unie. Cependant, la couleur orangée, c'est-à-dire le roux, annule cet effet, ce qui signifie que les chats à pelage roux partiel ou total peuvent présenter des motifs tigrés (tabby) dans les zones de roux. Les chats porteurs de zéro ou une copie de cet allèle sont susceptibles de présenter un motif tigré (tabby) en raison de la présence de bandes de couleur alternant le foncé et le clair sur les poils (poils agouti).	ASIP	a	2	Poils de couleur unie probables
Blanc Partiel et Total	KIT	W or w^{s}	0	Aucun effet
Gants Blancs (Découverts chez le Sacré de Birmanie/Birman)	KIT	w^{g}	0	Aucun effet
Amber (Discovered in the Norwegian Forest Cat)	MC1R	e	0	No effect
Russet (Découvert chez le Burmese)	MC1R	e^{r}	0	Aucun effet
Dilution Deux copies de l'allèle de Dilution sont nécessaires pour avoir un effet éclaircissant sur la robe.	MLPH	d	2	Robe de couleur éclaircie/diluée probable
Albinisme (Découvert chez les races de type Oriental)	TYR	c^{a}	0	Aucun effet
Colorpoint (Découvert chez le Burmese)	TYR	c^{b}	0	Aucun effet
Colorpoint (Découvert chez le Siamois) Deux copies de cet allèle donnent un patron colorpoint, bien que celui-ci puisse être bloqué par d'autres allèles. Les chats porteurs d'une copie de l'allèle Colorpoint (Découvert chez le Burmese) et d'une copie de l'allèle Colorpoint (Découvert chez le Siamois) présenteront une couleur de base plus foncée et un patron colorpoint moins contrasté que les chats porteurs de deux copies de l'allèle Colorpoint (Découvert chez le Siamois).	TYR	c^{s}	2	Patron colorpoint Siamois probable
Moka (Découvert chez le Burmese)	TYR	c^{m}	0	Aucun effet
Chocolat	TYRP	b	0	Aucun effet

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Couleur de Robe

	Gène	Allèle	Copies	Résultat
Cinnamon/Cannelle	TYRP	b^{l}	0	Aucun effet

Type de Robe

	Gène	Allèle	Copies	Résultat
Poil Long (Découvert chez de nombreuses races) Pour avoir une robe à poil long, un chat doit hériter de deux allèles Poil Long, n'importe lesquels. Il peut s'agir soit de deux copies du même allèle, tel que celui-ci, soit de n'importe quelle autre combinaison de deux allèles Poil Long.	FGF5	M4	1	Poil long possible, poil court probable
Poil Long (Découvert chez le Chat des Forêts Norvégiennes)	FGF5	M2	0	Aucun effet
Poil Long (Découvert chez le Ragdoll et le Maine Coon)	FGF5	M3	0	Aucun effet
Poil Long (Découvert chez le Ragdoll)	FGF5	M1	0	Aucun effet
Robe Lykoï (Allèle 1)	HR	hr^{TX}	0	Aucun effet
Robe Lykoï (Allèle 2)	HR	hr^{VA}	0	Aucun effet
Absence de Poils (Découverte chez le Sphynx)	KRT71	re^{hr}	0	Aucun effet
Pelage Cranté/Rexing (Découvert chez le Devon Rex)	KRT71	re^{dr}	0	Aucun effet
Pelage Cranté/Rexing (Découvert chez le Cornish Rex and le German Rex)	LPAR6	r	0	Aucun effet
Glitter/Pailleté	Pending	gl	0	Aucun effet

Longueur de la Queue

	Gène	Allèle	Copies	Résultat
Queue Courte (Allèle 3)	HES7	jb	0	Aucun effet
Queue Courte (Allèle 1)	T	C1199del	0	Aucun effet
Queue Courte (Allèle 2)	T	T988del	0	Aucun effet

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Doigts Surnuméraires

	Gène	Allèle	Copies	Résultat
Polydactylie (Allèle 1)	LIMBR1	HW	0	Aucun effet
Polydactylie (Allèle 2)	LIMBR1	UK1	0	Aucun effet
Polydactylie (Allèle 3)	LIMBR1	UK2	0	Aucun effet

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Autres maladies testées

Maladie génétique	Gène	Allèle de risque	Copies	Mode de transmission	Résultat
Acidurie Glutarique de Type II	ETFDH	T>G	0	AR	Sain
Atrophie Musculaire Spinale/SMA (Spinal Muscular Atrophy) (Découverte chez le Maine Coon)	LIX1	Suppression	0	AR	Sain
Atrophie Rétinienne Progressive (Découverte chez l'Abyssin)	CEP290	T>G	0	AR	Sain
Atrophie Rétinienne Progressive (Découverte chez le Bengal)	KIF3B	G>A	0	AR	Sain
Burmese Head Defect (Discovered in the Burmese)	ALX1	Suppression	0	AD	Sain
Cardiomyopathie Hypertrophique (Découverte chez le Maine Coon)	MYBPC	G>C	0	AR	Sain
Cardiomyopathie Hypertrophique (Découverte chez le Ragdoll)	MYBPC	C>T	0	AD	Sain
Cystinurie de Type 1A	SCL3A1	C>T	0	AR	Sain
Cystinurie de Type B (Allèle 1)	SCL7A9	C>T	0	AR	Sain
Cystinurie de Type B (Allèle 2)	SCL7A9	G>A	0	AR	Sain
Cystinurie de Type B (Allèle 3)	SCL7A9	T>A	0	AR	Sain
Déficit en Dihydropyrimidine Déshydrogénase	DPYS	G>A	0	AR	Sain
Déficit en Facteur XII (Allèle 1)	F12	Suppression	0	ARa	Sain
Déficit en Facteur XII (Allèle 2)	F12	Suppression	0	ARa	Sain
Déficit en Lipoprotéine Lipase	LPL	G>A	0	AR	Sain
Déficit en Pyruvate Kinase	PKLR	G>A	0	AR	Sain
Gangliosidose à GM1	GLB1	G>C	0	AR	Sain
Gangliosidose à GM2	GM2A	Suppression	0	AR	Sain
Gangliosidose à GM2 de Type II (Découverte chez le Burmese)	HEXB	Suppression	0	AR	Sain

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Autres maladies testées

Maladie génétique	Gène	Allèle de risque	Copies	Mode de transmission	Résultat
Gangliosidose à GM2 de Type II (Découverte chez les chats domestiques à poil court)	HEXB	Insertion	0	AR	Sain
Gangliosidose à GM2 de Type II (Découverte chez les chats domestiques japonais)	HEXB	C>T	0	AR	Sain
Hémophilie B (Allèle 1)	F9	C>T	0	XR	Sain
Hémophilie B (Allèle 2)	F9	G>A	0	XR	Sain
Hyperoxalurie de Type II	GRHPR	G>A	0	AR	Sain
Hyperplasie Congénitale des Surrénales	CYP11B1	G>A	0	AR	Sain
Hypotrichose (Découverte chez le Sacré de Birmanie)	FOXN1	Suppression	0	AR	Sain
Maladie de Stockage du Glycogène (Découverte chez le Chat des Forêts Norvégiennes)	GBE1	Insertion	0	AR	Sain
Mucopolysaccharidose de Type I	IDUA	Suppression	0	AR	Sain
Mucopolysaccharidose de Type VI	ARSB	T>C	0	AR	Sain
Mucopolysaccharidose de Type VI Modificateur	ARSB	G>A	0	MO	Sain
Mucopolysaccharidose de Type VII (Allèle 1)	GUSB	G>A	0	AR	Sain
Mucopolysaccharidose de Type VII (Allèle 2)	USB	C>T	0	AR	Sain
Myotonie Congénitale	CLCN1	G>T	0	AR	Sain
Oreille Pliée et Ostéochondrodysplasie / Allèle Fold (Découvert chez le Scottish Fold)	TRPV4	G>T	0	AD	Sain
Paralysie Périodique Hypokaliémique Familiale (Découverte chez le Burmese)	WNK4	C>T	0	AR	Sain
Porphyrie Aiguë Intermittente (Allèle 1)	HMBS	Suppression	0	AD	Sain
Porphyrie Aiguë Intermittente (Allèle 2)	HMBS	G>A	0	AD	Sain
Porphyrie Aiguë Intermittente (Allèle 3)	HMBS	Insertion	0	AD	Sain

FOR GOOD TIME VALHALLA

EXOTIC SHORTHAIR

Numéro de la puce : 250269610969717
Numéro ID du kit : CTPJTYT

Date du test : 2026-09-25
Livre Officiel des Origines Félines

Autres maladies testées

Maladie génétique	Gène	Allèle de risque	Copies	Mode de transmission	Résultat
Porphyrie Aiguë Intermittente (Allèle 4)	HMBS	Suppression	0	AD	Sain
Porphyrie Aiguë Intermittente (Allèle 5)	HMBS	G>A	0	AR	Sain
Porphyrie Erythropoïétique Congénitale	UROS	G>A	0	AR	Sain
Rachitisme Vitamine D-Dépendant	CYP27B1	G>T	0	AR	Sain
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	ABCB1	Suppression	0	AR	Sain
Sphingomyélinose (Allèle 1)	NPC1	G>C	0	AR	Sain
Sphingomyélinose (Allèle 2)	NPC2	G>A	0	AR	Sain
Syndrome de Chédiak-Higashi (Découvert chez le Persan)	LYST	Insertion	0	AR	Sain
Syndrome Lymphoprolifératif Auto-Immun	FASL	Insertion	0	AR	Sain
Syndrome Myasthénique Congénital (Découvert chez le Devon Rex et le Sphynx)	COLQ	G>A	0	AR	Sain